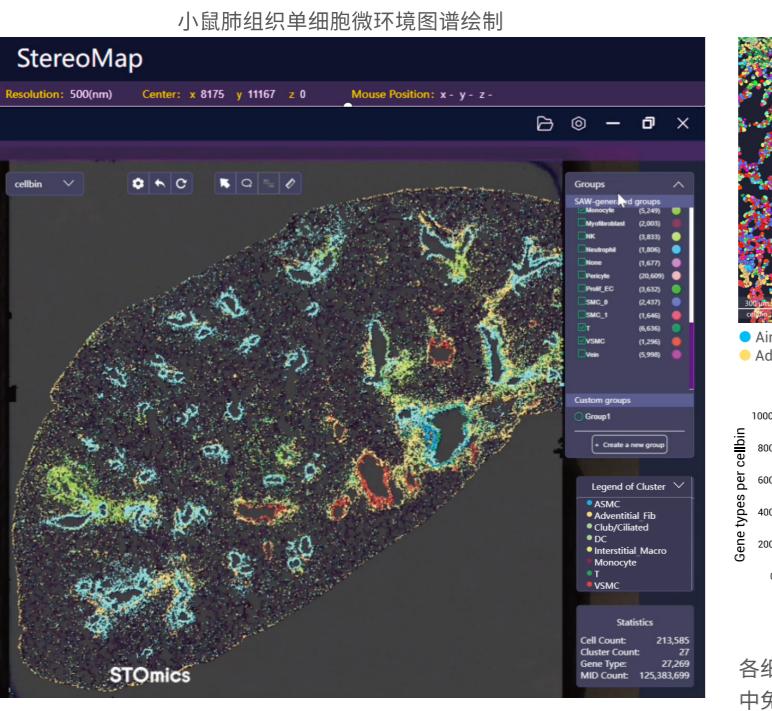


案例二：利用Cellbin水平分析，精准解析小鼠肺组织免疫微环境，并鉴定出免疫微环境中的主要细胞类型。



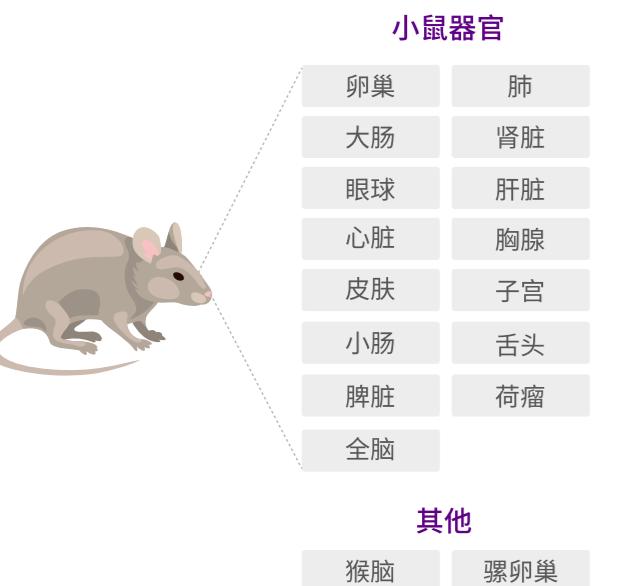
*未发表研究数据，不可引用

已测试样本类型

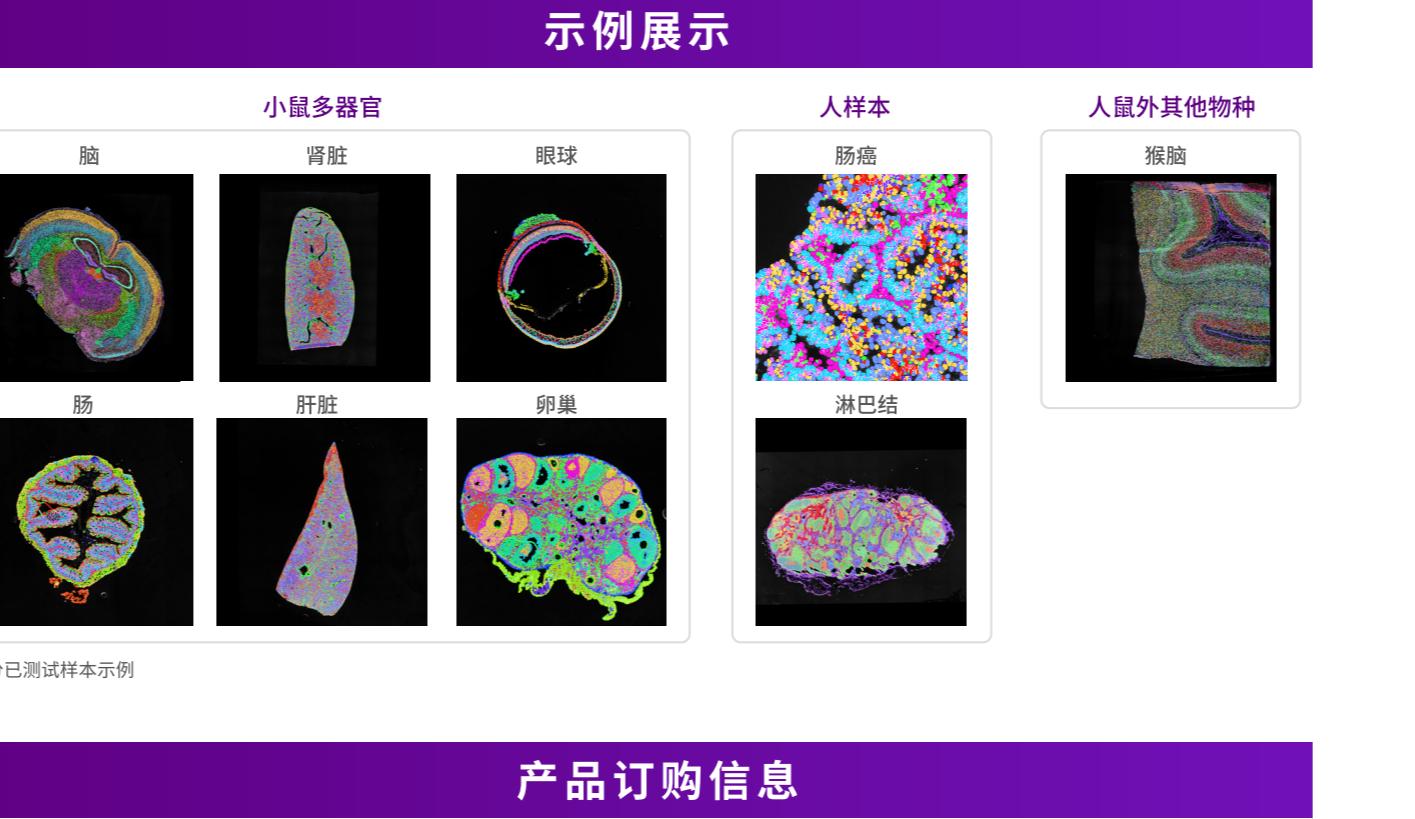
15 种小鼠组织

13 种病理组织

2 种其他组织



*更多样本类型测试中，将陆续加入列表。



产品订购信息

产品货号	产品名称	产品规格	描述
201SP11118	Stereo-seq 透化试剂套装 V1.1 (载体版)	8 RXN	用于摸索最佳透化条件。配合Stereo-seq转录组试剂套装V1.3(载体版)使用，适用于新鲜冷冻样本，兼容1cm*1cm、0.5cm*0.5cm芯片。
201ST13114	Stereo-seq 转录组试剂套装 V1.3(载体版)	4 RXN	用于获得组织切片cDNA扩增产物。配合Stereo-seq透化试剂套装 V1.1(载体版)使用，适用于新鲜冷冻样本，兼容1cm*1cm芯片。
201ST13004	Stereo-seq 转录组试剂套装 V1.3 (载体版, 0.5 cm*0.5 cm)	4 RXN	用于获得组织切片cDNA扩增产物。配合Stereo-seq 透化试剂套装 V1.1(载体版)使用，适用于新鲜冷冻样本，兼容0.5 cm*0.5 cm芯片。
101KL160	Stereo-seq 16 Barcode建库试剂盒	16 RXN	为Stereo-seq转录组实验获得的cDNA产物构建全转录本时空文库。适用于FFPE/FF V1.3。
940-001895-00	DNBSEQ-T7RS 时空可视化试剂套装 (T7 STO FCL PE75)	1 RXN	测定时空文库序列的专用试剂盒。与DNBSEQ-T7RS配合使用，获取样本序列信息，适用于FFPE/FF V1.3。

联系我们

CONTACT US

地址:深圳市盐田区梅沙街道云华路 9 号华大时空中心

邮箱:services@stomics.tech 网址:<https://www.stomics.tech>

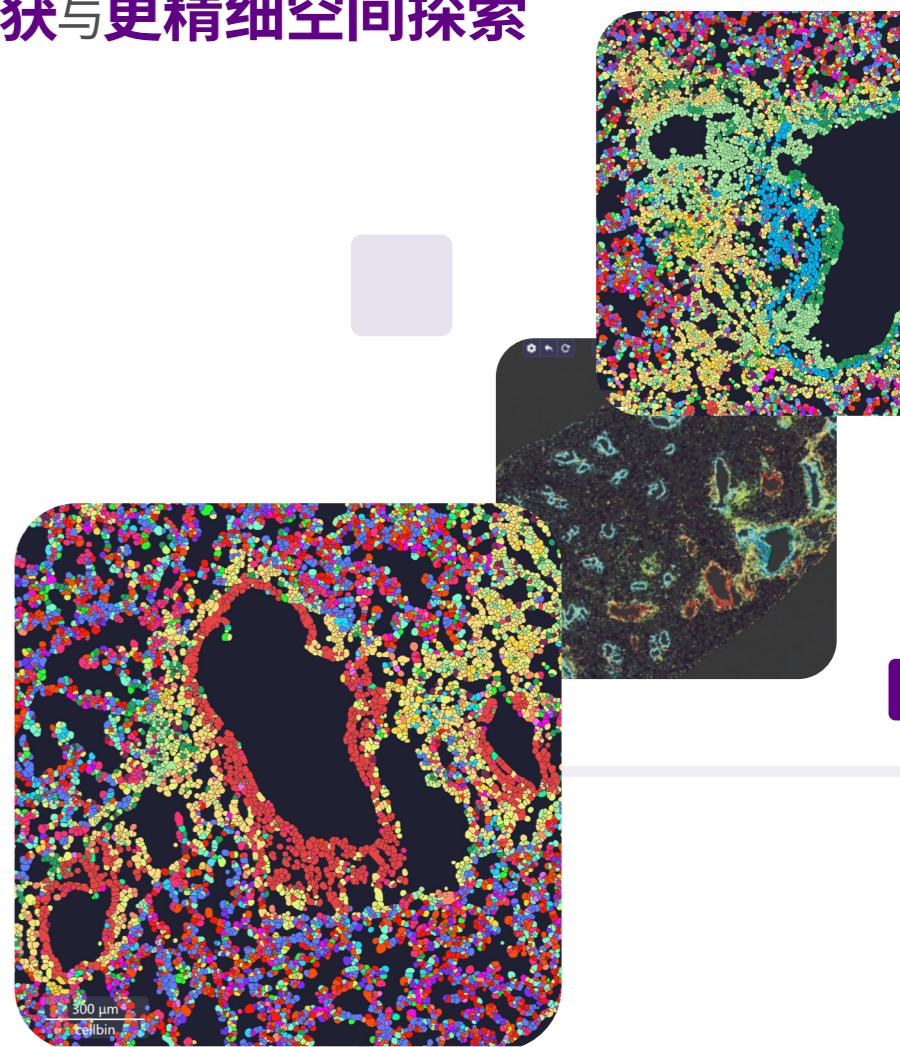
*仅供研究使用，不得用于诊断



时空组学
STOmics

时空转录组FF V1.3

提质增效，实现更高捕获与更精细空间探索



- ✓ 捕获基因数显著提升
- ✓ 轻松实现Cellbin分析
- ✓ 样本质量兼容性更高
- ✓ 有效提升透化荧光信号强度
- ✓ 同试剂盒支持同片细胞核/H&E染色
- ✓ 工作流程更快速简便
- ✓ 分析工具强大且易用



时空转录组FF V1.3

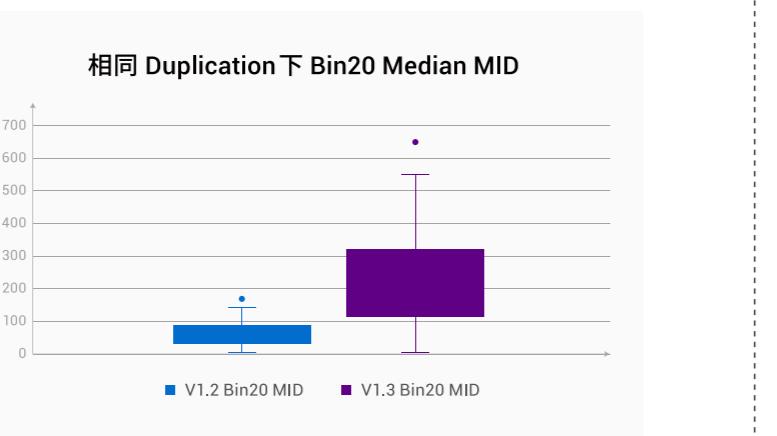
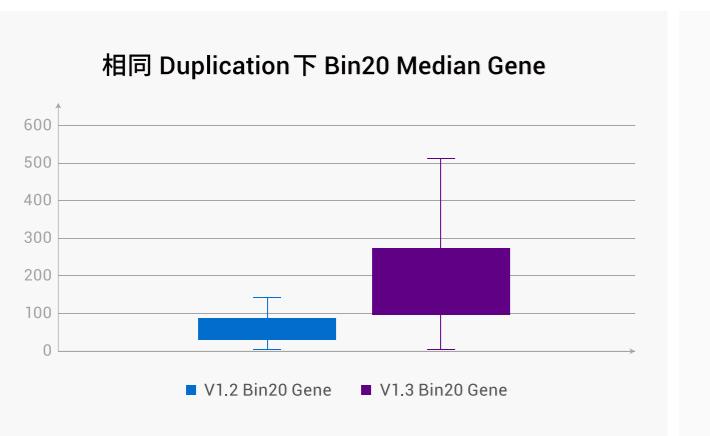
时空转录组FF产品方案是同时以纳米级分辨率和厘米级全景视场实现“组织到数据”的整体解决方案，适用于新鲜冷冻(Fresh Frozen, FF)样本。为帮助研究人员利用更高效的生化流程捕获更多的基因，实现对基因表达和细胞变化过程的精准解析，我们对该方案进行了全面升级。

在保持Stereo-seq高检测分辨率的基础上，升级后的时空转录组FF V1.3的整体性能更优异，可助力研究人员轻松获得更多高质量数据，结合全新升级的数据分析工具，真正实现Cellbin水平深入探索和揭示细胞基因表达的奥秘。

产品亮点

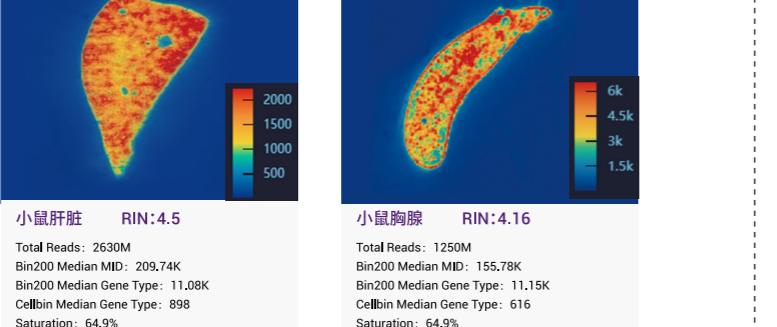
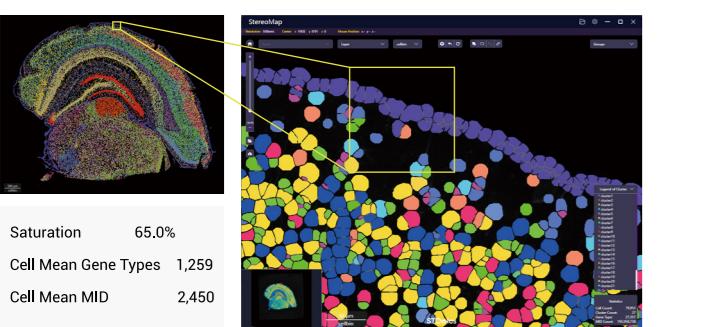
捕获基因数显著提升

基于同组织相邻切片、相同数据饱和度下，统计了已测试的所有组织样本，Bin20水平捕获的Median Gene Type 提升中位数比例为~149%、Median MID提升中位数比例为~224%。捕获效率显著提升，助力进行更深入的单细胞空间分析。



轻松实现Cellbin分析

通过图像识别技术，对细胞核进行识别和分割并获得Cellbin。基于Cellbin水平捕获到的更多空间转录组信息，以单细胞分辨率精细探索基因表达空间特征。

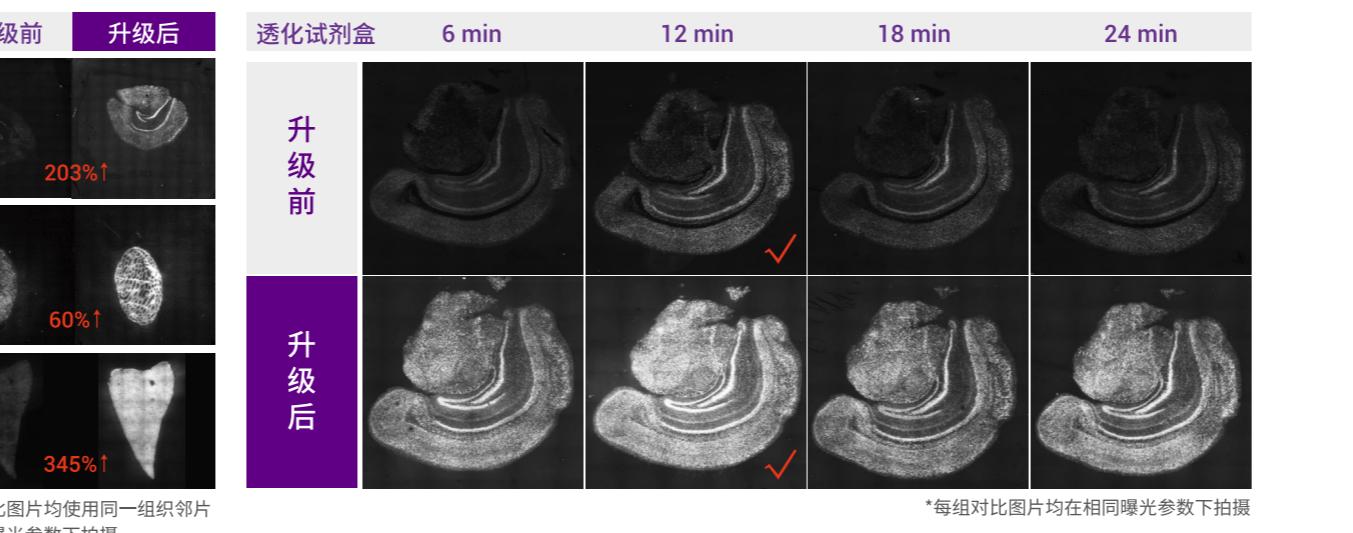


同试剂盒支持同片细胞核/H&E染色

H&E封片剂集成进试剂盒，支持同一套试剂盒在同一张切片上灵活选择ssDNA染色/H&E染色，开展多模态数据分析及挖掘。

有效提升透化荧光信号强度

透化试剂升级后，可以有效提升透化荧光信号强度，更有利于选择最佳透化时间。



工作流程更快速便捷

实现部分试剂预混，试剂管数减少，生化流程整体可缩短~4小时，操作更简单流畅，研究人员1天即可获得纯化后的cDNA产物。



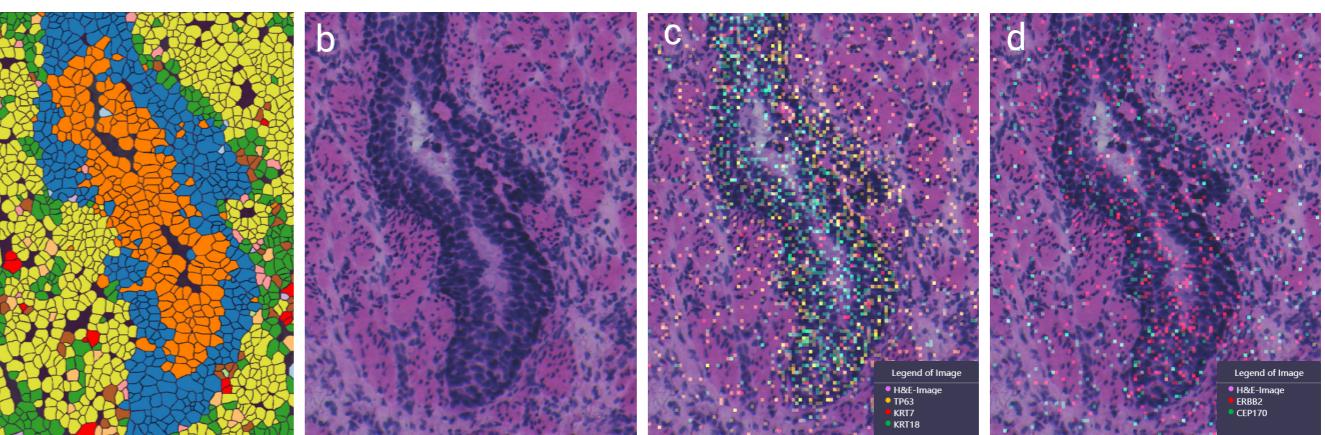
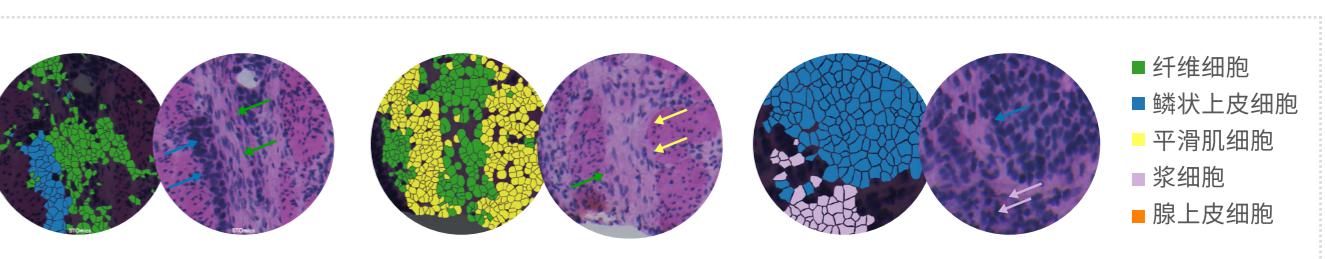
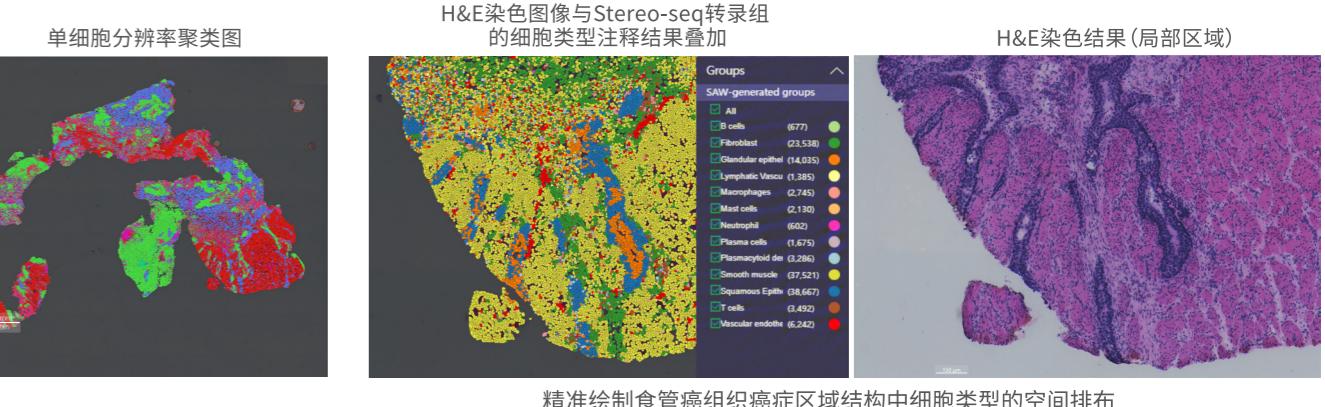
分析工具强大且易用

全新升级的数据分析工具安装配置和操作使用更简单便捷，交互友好性更强，可视化能力更丰富，可兼容所有第三方分割算法的结果。



应用案例

案例一：基于H&E提供的组织学信息，深入探究伴导管分化食管癌的空间分子特征，并精准定位细胞类型空间分布。病理诊断为食管溃疡性低分化鳞形细胞癌，空间转录组学结果提示存在伴导管分化腺鳞癌的可能性，这一发现可能会为伴导管分化食管癌的病因学研究及诊断治疗提供新的研究思路。



(a)从H&E染色图像与Stereo-seq FF V1.3转录组的数据叠加结果可看出肿瘤位于食管黏膜鳞状上皮下，呈小管样；这与(b)病理学注释的H&E染色结果一致。该结构中，(c)外层细胞表达TP63，内层细胞表达KRT7/18，(d-f)注释为腺上皮区ERBB2+(HER2+)。

*未发表研究数据，不可引用